


```

? LENGTH: 4651
? TYPE: DNA
? ORGANISM: Homo sapiens
? FEATURE:
? NAME/KEY: misc_feature
? LOCATION: 2270, 3649, 3724, 4265, 4649, 4644, 4645, 4647, 4649, 4650,
? LOCATION: 4651
? OTHER INFORMATION: n - A.T.C or G
US-10-176 847-61

Query Match 75.1% Score 1585.4 DB 9: Length 4651;
Best Local Similarity 99.6% Pred. No. %
Matches 1589: Conservative 0; Mismatches 6; Indels 0; Gaps 0;

QY 518 GTTTTAAATGAGTGGGCTGAGGCGCGGCTGTGTAATACACAGTGTATACATAC 577
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 469 GATCTAAATGATGTGGTGTGAAGCGCGGAGCTGTAAATACAGGTAATAC 528
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 578 GGTAAATACAAAGGTACGTCTCAACGCAATATATATATATATATATATATAT 647
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 529 GGTAAATACAAAGGTACGTCTCAACGCAATATATATATATATATATATATAT 588
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 648 AGTGGGTGCACTGTCTCAACGCAATATATATATATATATATATATATATATAT 697
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 589 AGTGGGTGCACTGTCTCAACGCAATATATATATATATATATATATATATATAT 648
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 698 ATATGCTGCACTGTCTCAACGCAATATATATATATATATATATATATATATAT 757
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 649 ATATGCTGCACTGTCTCAACGCAATATATATATATATATATATATATATATAT 708
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 758 GATGTGATGATGTCTCAACGCAATATATATATATATATATATATATATATATAT 817
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 709 GATGTGATGATGTCTCAACGCAATATATATATATATATATATATATATATATAT 768
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 818 ATTTTGGAGGTATATCTCAACGCAATATATATATATATATATATATATATATAT 877
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 769 ACTTTGGAGGTATATCTCAACGCAATATATATATATATATATATATATATATAT 828
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 878 AATATCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 937
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 829 AATATCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 888
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 948 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 997
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 889 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 948
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 949 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1007
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1058 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1117
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1009 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1068
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1118 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1177
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1069 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1128
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1178 AGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1237
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1129 AGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1188
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1248 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1297
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1189 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1248
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1298 AGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1357
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1249 AGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1308
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1358 AGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1417
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1409 AGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1468
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
```

```

QY 1418 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1477
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1469 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1528
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1478 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1537
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1429 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1488
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1548 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1597
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1489 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1548
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1508 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1557
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1549 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1608
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1608 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1657
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1609 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1658
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1718 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1777
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1669 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1728
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1778 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1837
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1729 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1788
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1848 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1907
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1849 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1908
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1948 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2007
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1909 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1968
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 2048 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2077
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 1969 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2028
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 2078 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2117
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
QY 2029 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2063
DB 1111111111111111111111111111111111111111111111111111111
```

```

RESULT 3
US-10-634 551-81
? Sequence 81: Applicant: US/1000455
? Patent No. US 2003/0104510A1
? GENERAL INFORMATION:
? APPLICANT: SHEPHERD, RICHARD A
? APPLICANT: FERNANDEZ, EDNA
? TITLE OF INVENTION: POLYPEPTIDES AND POLYPEPTIDES ENCODED THEREBY
? FILING DATE: 1998-05-09
? CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/004,551
? PRIOR APPLICATION NUMBER: 09/635,949
? PRIOR FILING DATE: 2000-08-10
? NUMBER OF SEQ. IDS: 110
? SOFTWARE: Patent In Ver. 2.1
? SEQ. ID NO: 81
? TYPE: DNA
? ORGANISM: Artificial Sequence
? FEATURE:
? OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: Constructed
US-10-634 551-81
```



```
DB 401 TGAATTAAGCACTTAAGGTTGAGAGGATTAAGTAACTGGAGTGGCTGGCTAGCTG 460
QY 461 GGAATAGAGTGAAGCTTTGTAAGTAAAGGAGAAATAGACAGATAAAGAGTGGACAGT 420
DB 462 GAAATAGTGGACG----- 474
QY 421 CAAGATGTGTCGCAACGACGATGCAAAATAGGTGAATGTATACGGGCAAAATAAATGGAA 480
DB 475 -----CTGTGTGTGCAACGACGATGCAAAATAGGTGAATGTATACGGGCAAAATAGTGGAA 429
QY 481 GTGTATCTGCTGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 540
DB 480 GTGTATCTGCTGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 540
DB 430 GTGTATCTGCTGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 489
QY 541 GTGTATCTGCTGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 600
DB 490 GTGTATCTGCTGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 549
QY 601 CAAGGATATATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 660
DB 550 CAAGGATATATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 609
QY 661 AAATGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 720
DB 610 AAATGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 669
QY 721 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 780
DB 670 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 729
QY 781 AAATGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 840
DB 730 AAATGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 789
QY 841 GTGTATGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 900
DB 790 GTGTATGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 849
QY 901 AAATGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 960
DB 850 AAATGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 909
QY 961 GTGTATGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1020
DB 910 GTGTATGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 969
QY 1021 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1080
DB 970 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1029
QY 1081 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1140
DB 1030 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1089
QY 1141 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1200
DB 1090 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1149
QY 1201 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1260
DB 1150 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1209
QY 1261 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1320
DB 1210 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1269
QY 1321 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1380
DB 1270 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1329
QY 1381 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1440
DB 1330 TGGCTGCTATGCTATGCTGGAAGAAAGCTGTATATCAATTTTAAATATAGTGTGGCTGCA 1389
```

Search completed: April 20, 2003, 15:19:45
Job time : 270 secs

